



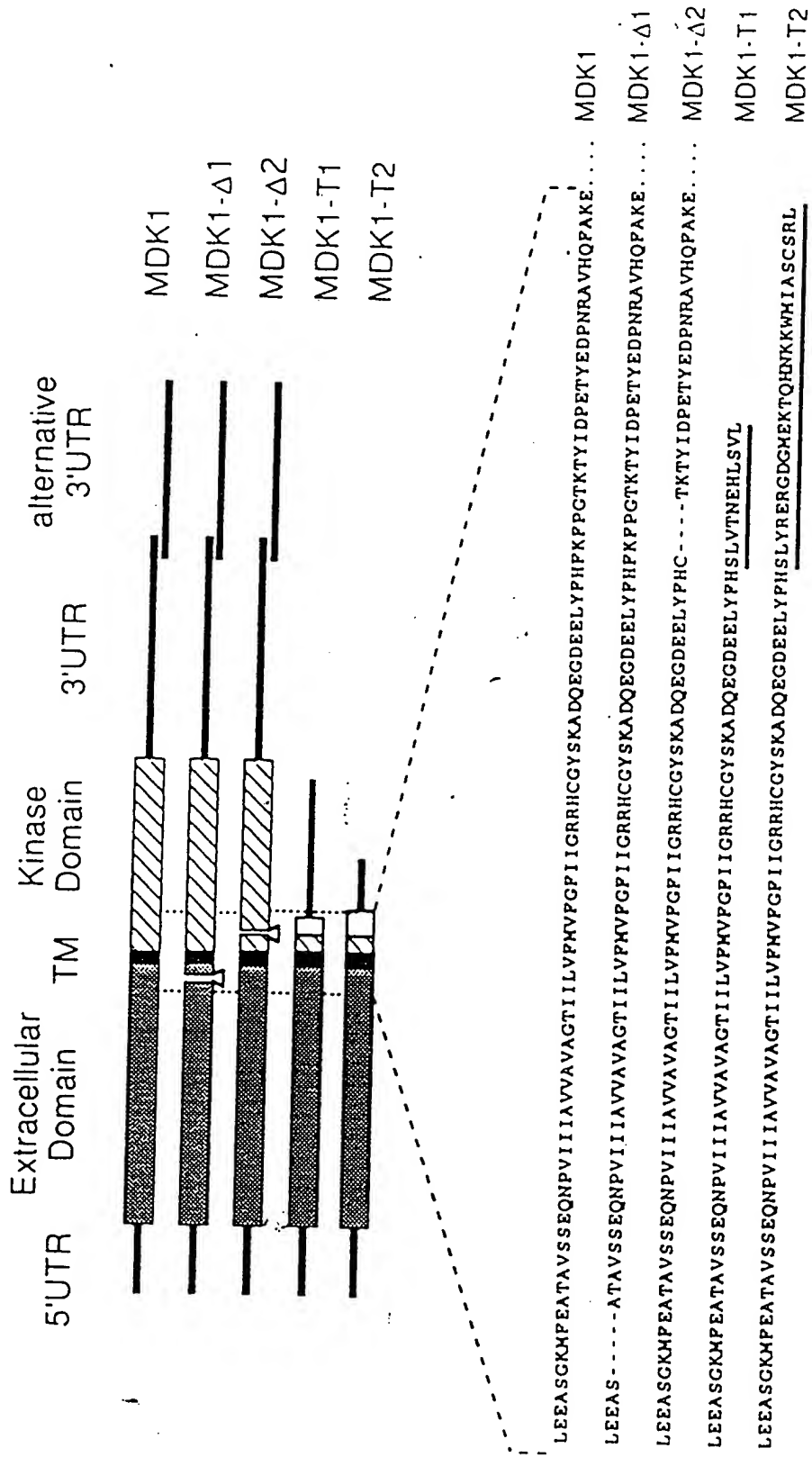
MDK1'-T1

V A V A G T I I L V P M V P G P I I G R R H C G Y S K A D Q 590  
GTGGCTGTAGCAGGACCATCATCTTGGTGTTCATGGTGTTCGCTTCATCATTTGGAAGAGCCACTGTGGTTATACCAAGGCTGACCAA 2002  
E G D E E L Y P H S L V T N E H L S V L \* 610  
GAAGGGGATGAAGAATCTACTTTTCATCTTTTAGTAACAAATGAGCACCTGTGACGTTTATAAACCGCAACAATAAactgttttaagacaat 2092  
caatttttgggataaaacaactcaactacagcagaataataatcaagatttttaagtcccattttccctttatatacatctctgtcttattgttcttac 2182  
atgtttatttttttaaaactctgatcttgatgaatgtgataccataagcacagttaggctgcagtgtaataatataataaagacattgttctga 2272  
gagcaglacgattttcaatggaaagattgtttgggtgcttgaataatataaagaatttttaaggatataagtgtaattttcttcattgc 2362  
attaataaaccataatgccctacctaattgttcttgaaaccaaatagaatttggaatacttttgaattgttaattggaatttgatataaaag 2452  
tgactgagcattttatgtgttaccctgcatgcttctgggtgcatgaaataattttaacttttaaaatgatactatgttgttcaattttga 2542  
ctacctttgtgaggcatactgggtacccctccctctctatagctaaagatcttccaaagccctataatgaaaaagtttatataaaccatttctc 2632  
ttcaaatcacctgcatacttggtcaggtacccaggaataattgtaaaattttctaaatttactctgcactttgtatccagccctctatca 2722  
ccctcaagggtgaatataaaactatgtcttttgaaataatttctctgtgtttgtgtatagcagtcctcctcatatcttgcataattttatga 2812  
tatgtcaacagtggttggcttttaaaatcaaatcaaaagataaagtaaaaaaaataaaaaaaataaaaaaaataaaaaaaataaaaaaa 2901

E

# MDK1-T2

V A V A G T I I L V P M V P G P I I G R R H C G Y S K A D Q 570 590  
 GTGGCTGTAGCAGGGACCATCATCTTGGTGTTCATGGTGTTCGGCTTCATCATTTGGAAGAAGGCACCTGTGGTTATAGCAAGGCTGACCAA 2002  
 E G D E E L Y P H S L Y R E R G D G M E K T Q H N K K W M I 600 620  
 GAAGGGGATGAAGAAGCTCTACTTTTCATTCTCTTTACAGGGAAGGGGAGACGGGATGGAAAAGACACAGCACAAATAAGTGGATGATT 2092  
 A S C S R L \*  
 GCATCGTCTCTCGTTGTAGGgtctctcttttcctaatacaactatgatttttgaagtacgcgtacacgaagcaaacgggaagagataagga 2182  
 attagcattgtgaacctgactgtaatccctctctctccggaaagagatgagatgctctatttgcgatgagaaatgtacaacttgcacaccttgaatc 2272  
 ttttttgataaattagtgctcaggggggagggggggaagtagagaaagcaaa 2323



Ciossek et al.  
Fig.2C

FF